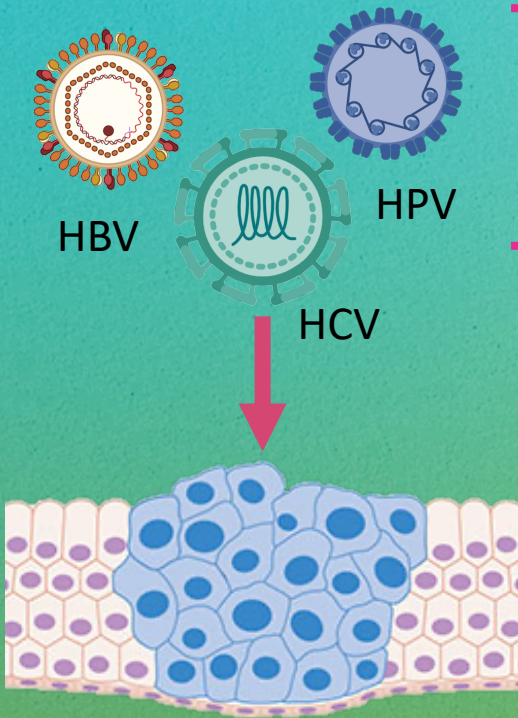


Expresión de glutaminasas
(GLS1 y GLS2) en sujetos con
cáncer de hígado, cérvix y
cabeza y cuello, infectados
con HBV/HCV y HPV y su
asociación con el pronóstico
de la enfermedad.

Livisú Pajares Rojas
*PhD. MSc. Claudia Machicado
Rivero*



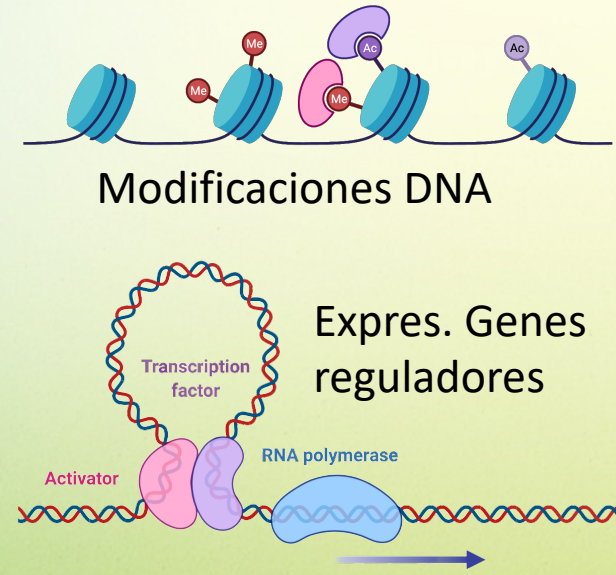
Introducción



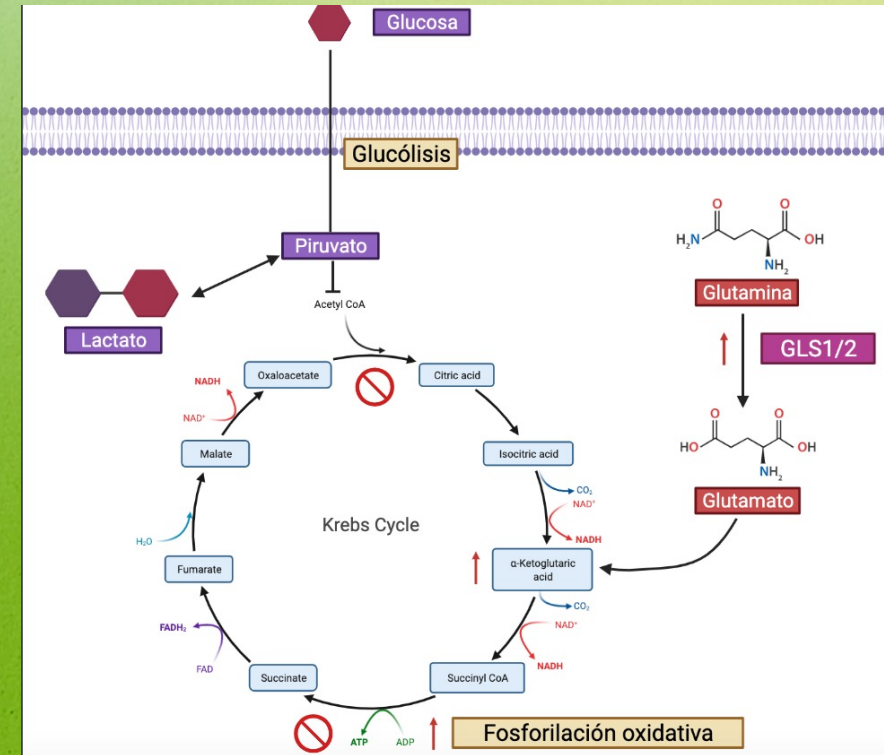
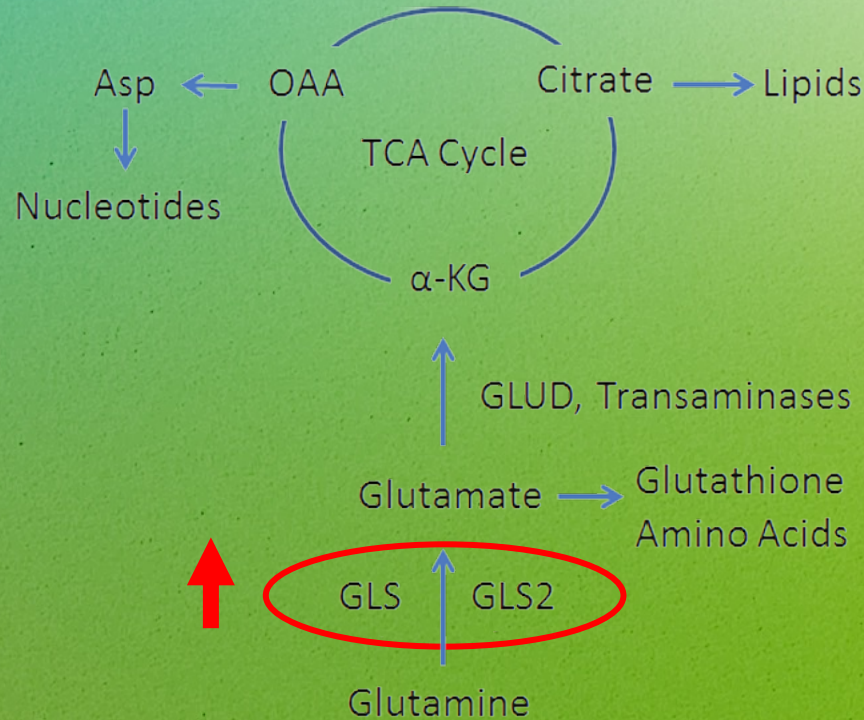
Infección viral crónica

Transformación viral = cambios celulares

REAJUSTE METABÓLICO



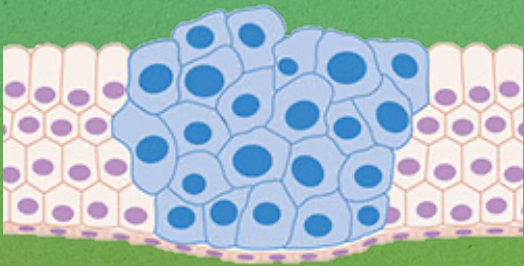
Cáncer cervical (CESC)
Cáncer cabeza y cuello (HNSCC)
Cáncer de hígado (LIHC)



Objetivo

- No se sabe si expresión de GLS1/GLS2 varía con el tipo de infección viral y si influyen con el **pronóstico de la enfermedad**.

- En este estudio indagamos si la expresión génica de GLS1/2 y el estado de infección (infectado o no infectado) de los pacientes con cáncer están asociados al **pronóstico de la enfermedad**. → Genomas de tejidos cancerosos TCGA.



Metodología

1. Construcción de la base de datos de la población

2. Análisis de expresión génica y nº de copias de GLS1/GLS2 en cohortes CESC, HNSCC y LIHC de TCGA

3. Análisis de sobrevida

Descarga de base de datos de CESC, HNSCC, LIHC en Xena

Correlacionamos el perfil genómico con el fenotipo aplicando:

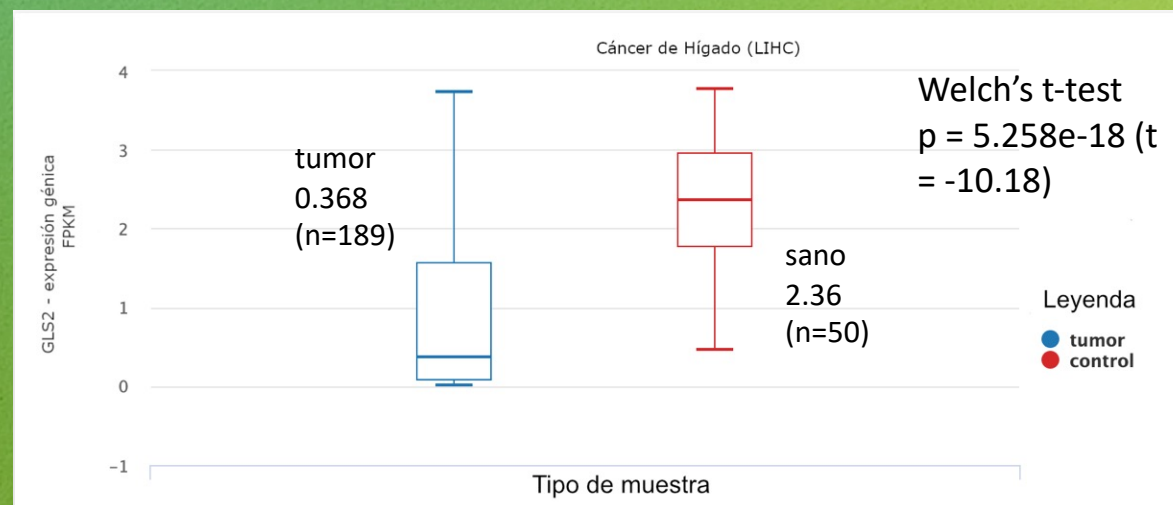
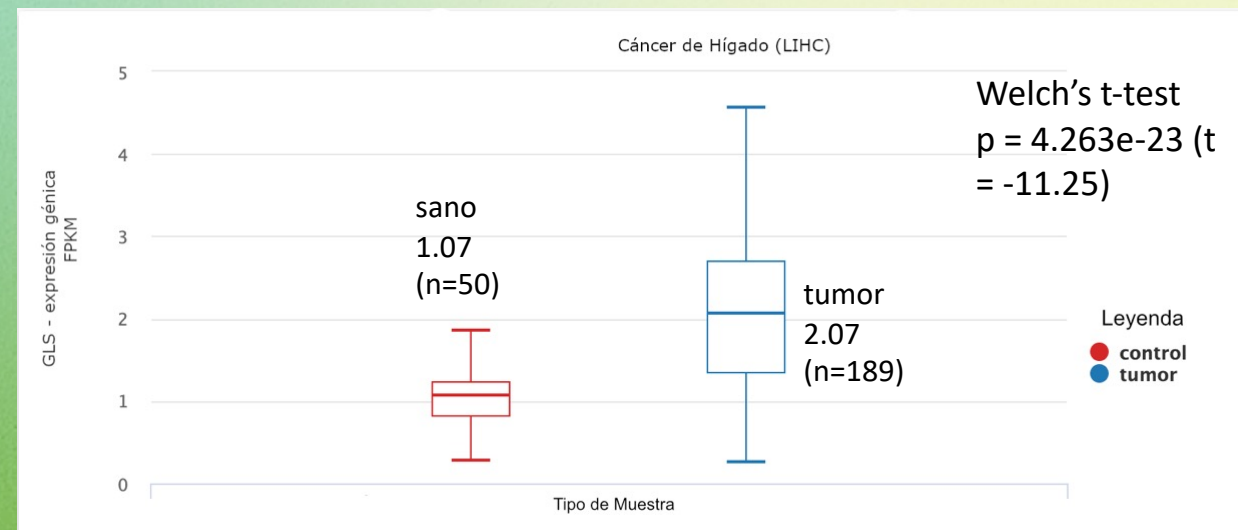
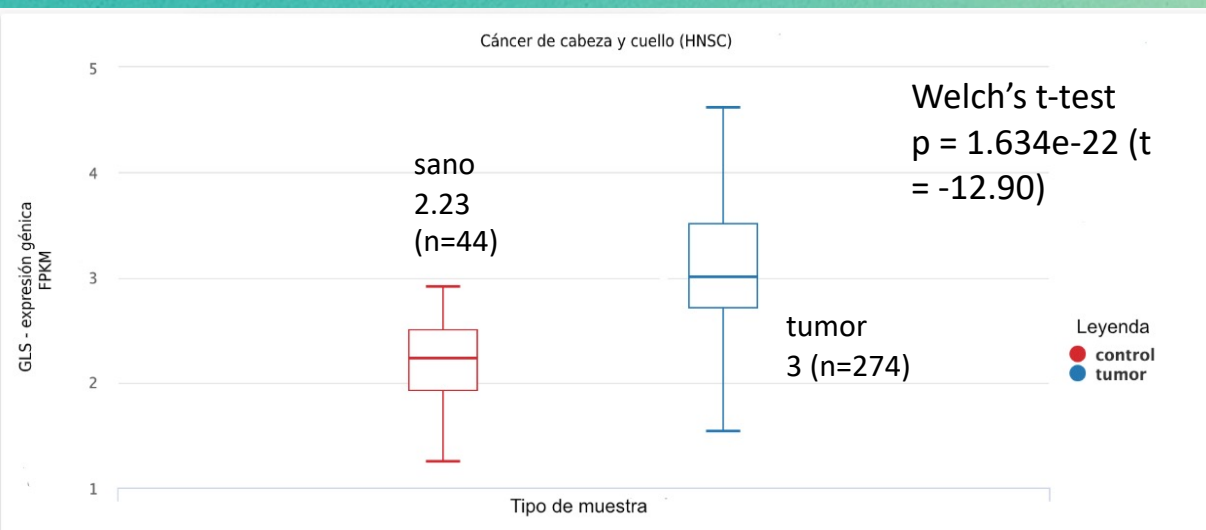
Chi²

ANOVA de una vía
T de Welch

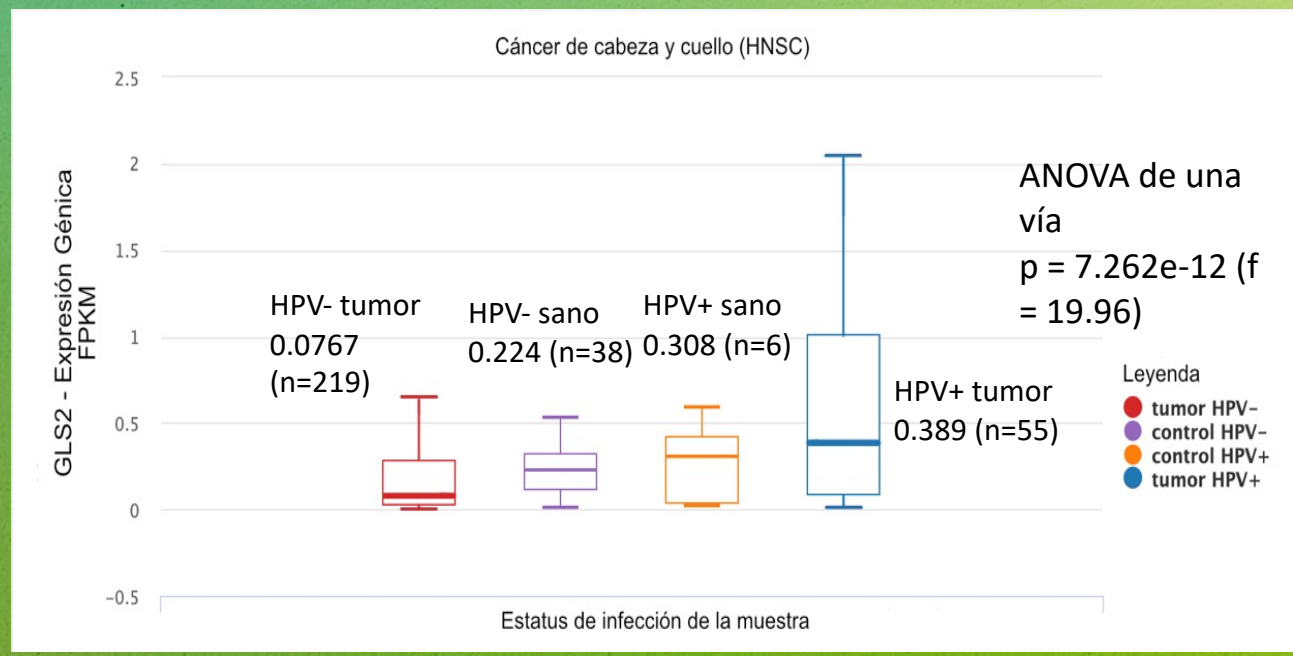
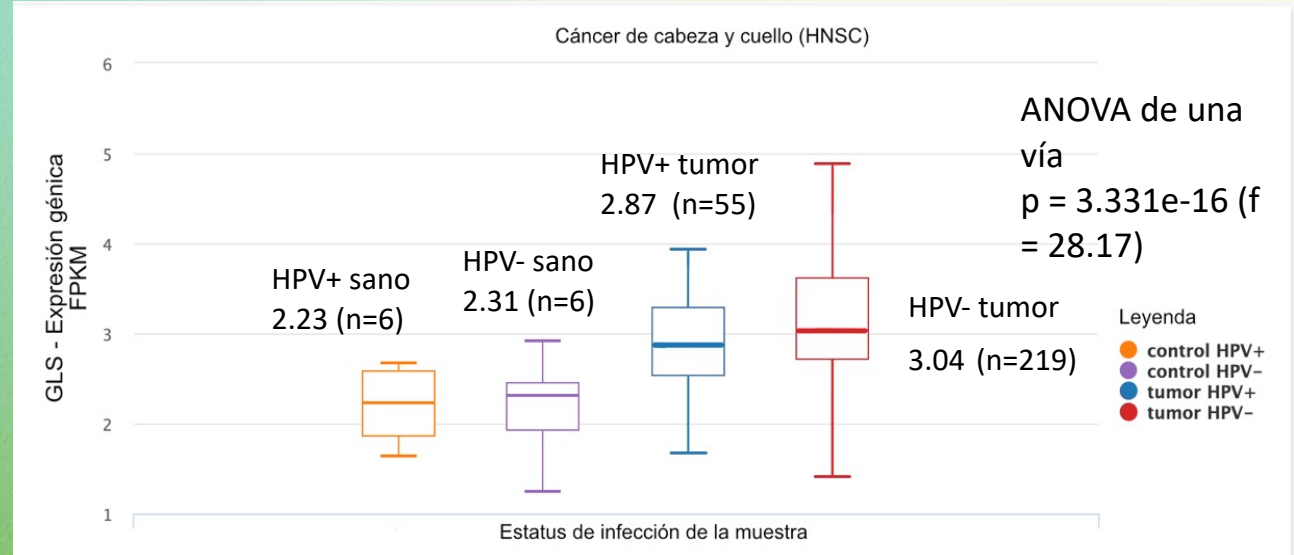
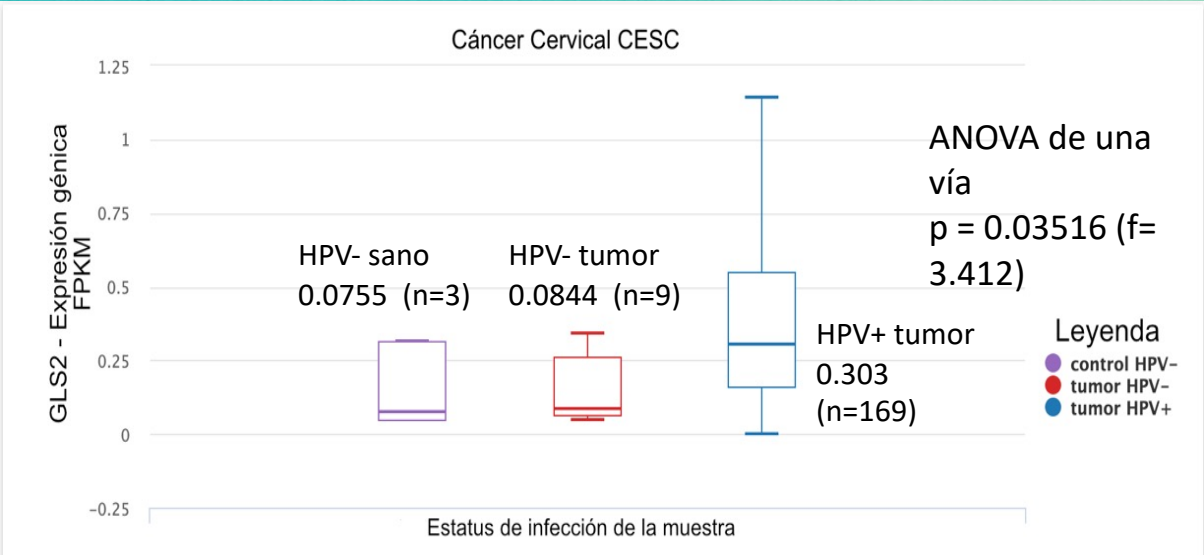
Evaluamos el pronóstico de la enfermedad en días con un Kaplan Meier plot

Resultados

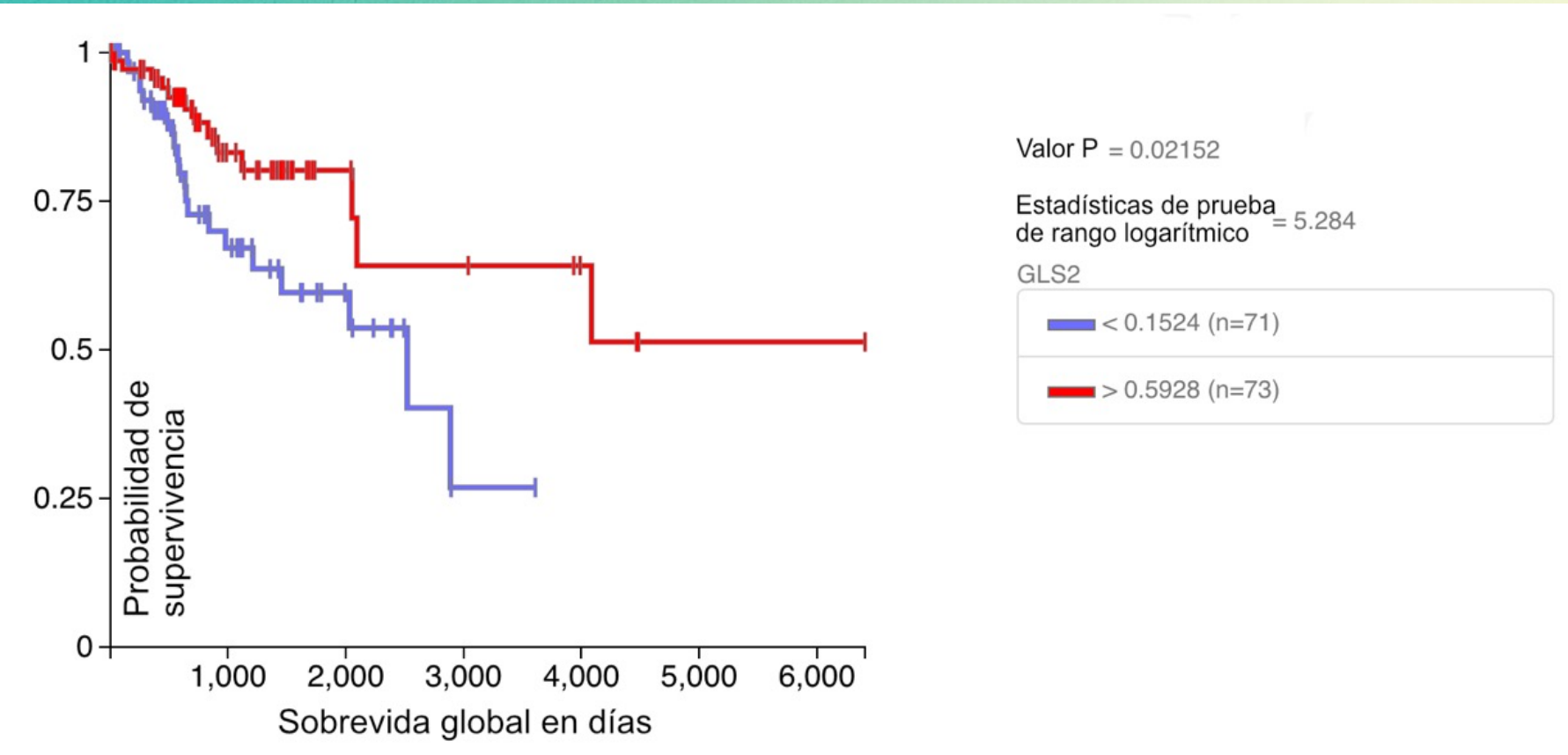
Cambio de expresión génica y la alteración del número de copias de GLS1 y GLS2 en sujetos con cáncer de hígado, cervix y cabeza y cuello.



Relación entre la expresión de GLS1/GLS2 o alteración del número de copias y variables fenotípicas.



Influencia de la expresión génica de GLS1/GLS2 con el pronóstico de la enfermedad.



Conclusiones

Expresión de GLS1/2 varía en función de la infección viral, en pacientes con cáncer, influyendo en la sobrevida global en CESC.

GRACIAS



XXIII
JORNADAS
CIENTÍFICAS
ROGER GUERRA GARCÍA CUEVA