

RESUMEN

Peperomia R. & P. pertenece a la familia *Peperomia* cuyos miembros se encuentran en los trópicos de ambos hemisferios, con mayor concentración y centros de dispersión en Latino América y Malasia. *Peperomia* es el segundo más grande genero dentro de las *Piperaceae* con alrededor de 1000 especies ampliamente distribuidas en regiones tropicales y subtropicales. Especies de *Peperomia* son consideradas generalmente como plantas ornamentales; sin embargo, muchas de ellas son utilizadas como plantas medicinales en la Sierra peruana, en casi toda la Costa y Selva del Perú, así como también en otras partes del mundo ya que producen una gran cantidad de metabolitos secundarios. Se ha reportado actividad antipirética, antiinflamatoria, cicatrizante y analgésica para algunas especies, así como también efecto antibacterial, anticonvulsivo y antitumoral. A pesar de que las plantas de este género son fácilmente distinguibles en campo mediante la combinación de sus características vegetativas y morfológicas, la uniformidad de sus diminutas flores y la gran cantidad de especies en el género han dificultado el desarrollo de una clasificación intragenérica estable. La diversidad genética entre las especies de *Peperomia* fue evaluada utilizando las regiones plástidicas *matK* y *rbcL* y la Región Espaciadora Transcriptora Interna 2 (*Intergenic Spacer region* – ITS2) del ADN ribosomal nuclear. Las secuencias fueron evaluadas en 167 plantas de *Peperomia* de 41 especies. Utilizando la información de *rbcL* y *matK* combinada se construyeron dendogramas en los que se logró agrupar 64 individuos en 7 grupos de especies. Sin embargo, la variación presente en la región ITS2 nos permitió obtener nodos de mayor soporte estadístico con valores de *bootstrap* entre 91-100% y un rango de divergencia de 0-0.003 dentro de una misma especie y 0.041-0.308 entre especies diferentes. Además, se logró confirmar un caso de sinonimia entre *P. inaequalifolia* y *P. galioides*, ahora esta especie se conoce como *P. inaequalifolia sub. galioides*. Finalmente, todas las especies con más de un individuo fueron agrupadas en un grupo monofilético utilizando ya sea *matK* y *rbcL* combinado o ITS2 como regiones barcode. Si bien algunos resultados obtenidos son alentadores, nuestro análisis también reveló algunas inconsistencias en la identificación de especies clasificadas bajo diferentes nombres, pero que formaban grupos robustos con todas las regiones barcode. Esto sugiere que con nuestros resultados y data, es aún prematuro concluir que todas las especies de *Peperomia*, y su diversidad, pueden ser representadas en estos *DNA barcodes*.